

## Diversité génétique et histoire évolutive de *Borassus aethiopum* Mart., un palmier aux multiples usages

Kifouli ADEOTI<sup>1</sup>, Mariano KPATENON<sup>1,5,6</sup>, Valère SALAKO<sup>2</sup>, Amadé OUEDRAOGO<sup>3</sup>, Murielle LATREILLE<sup>4</sup>, Christine TOLLON<sup>4</sup>, Leila ZEKRAOUF<sup>5</sup>, Cédric MARIAC<sup>5</sup>, Sylvain SANTONI<sup>4</sup>, Thierry BEULE<sup>6</sup>, Thomas COUVREUR<sup>5</sup> et Estelle JALIGOT<sup>7</sup>,

<sup>1</sup>Université d'Abomey-Calavi, FAST, BDEP, LAMITA, Cotonou, Bénin

<sup>2</sup> Université d'Abomey-Calavi, FSA, LABEF, Cotonou, Bénin

<sup>3</sup>Université de Ouaga I Joseph Ki-Zerbo, Burkina Faso

<sup>4</sup> INRA, UMR AGAP, Montpellier, France

<sup>5</sup> IRD, UMR DIADE, Montpellier, France

<sup>6</sup> CIRAD, UMR DIADE, Montpellier, France

<sup>7</sup> CIRAD, UMR AGAP, Montpellier, France

Auteur de correspondance : [zoulade@yahoo.fr](mailto:zoulade@yahoo.fr)

### Résumé

Le palmier rônier ou *Borassus aethiopum* Mart. est une plante aux multiples usages, qui présente des caractéristiques socio-économiques importantes pour les populations locales. Les nombreux avantages dont offre la plante, font qu'elle subit de grandes pressions anthropiques. Dans le but de définir des stratégies de gestion et de conservation à moyen et long terme, une analyse de la diversité a été effectuée grâce aux marqueurs microsatellites spécifiques de l'espèce. Ces derniers ont été développés à partir d'un séquençage partiel du génome de *B. aethiopum*, puis par la méthode QDD, onze (11) amorces spécifiques ont pu être définies et testées sur 180 échantillons représentant neuf (9) populations au Bénin. L'utilisation de ces marqueurs a permis de distinguer deux groupes génétiques dont l'un est constitué des populations Sud et Centre Bénin et le second groupe représentant l'ensemble des populations du Nord y compris la population de Savè qui est aussi située au Centre Bénin. De plus, dans le souci d'élucider la frontière génétique entre les différentes espèces de *Borassus* sp., les analyses phylogénétiques conduites sur l'ensemble des échantillons issus des cinq espèces (*B. aethiopum*, *B. akeassii*, *B. madagascariensis*, *B. heineaus*, *B. flabellifer*) ont permis de déterminer que l'espèce sœur de *B. aethiopum* serait *B. madagascariensis* avec une spéciation intervenue il y a trois (03) millions d'années (Ma). Ces résultats sont d'une grande importance et amélioreront l'état des connaissances aussi bien sur *B. aethiopum* que les autres espèces. Tout ceci contribuera à une meilleure gestion de l'espèce dans son aire de distribution.

**Mots** : Palmier rônier, structuration génétique, marqueurs microsatellites, phylogénie